

10X Chromium シングル核RNA-Seg解析

核抽出 <table-cell-rows> ライブラリ構築 🜓 シーケンシング 🕕 標準データ解析

今だけ 42 万円/サンプル

- ◆ 凍結組織/凍結細胞をお送りいただくだけで、データ解析まで全てお任せ!
- ◆ 300種類以上の組織分離経験
- ◆ 10種類以上の独自バイオインフォマティクスアルゴリズム



✓ オーダーメイド解析にも対応可能



お問い合わせ先

HaploX JAPAN株式会社

〒532-0011大阪市淀川区西中島 7丁目1-29新大阪SONEビル604

TEL: 06-6711-4812 **FAX:** 06-6711-4813 **Email:**hapjp@haplox.net

本サービスは、特に明記されていない限り、研究目的以外にはご利用いただけません。

Copyright©2025 HaploX Biotechnology Co., All Rights Reserved.すべての商標は、HaploX GeneTech Limited または該当する各権利者に帰属します。

本資料には、幅広い閲覧者を対象とした製品情報が含まれています。記載された製品やサービスは、国・地域によってはご利用いただけない場合や、提供されていない場合があります。お客様の所在国における法規制、承認手続き、登録等に適合しない情報の閲覧または利用に関して、当社は一切の責任を負いません。特に明記のない限り、一部のシーケンサーおよび試薬は国または地域によってはご使用いただけない場合があります。製品の地域別提供状況については、当社までお問い合わせください。当社は、本資料に関する最終的な解釈権を有します。



10X Visium空間トランスクリプトーム解析

組織切片の作製 + HE染色 + ライブラリ構築 + シーケンシング + 標準データ解析

今だけ 55 万円/サンプル~

- ◆ 研究の手間と時間を大幅に節約!
- ◆ 選べる3つのプラットフォーム: Visium v1 FF / v2 FFPE / Visium HD
- ◆ 70種類以上の組織切片作製実績

- ◆ サンプル数の制限なし (奇数検体でも受け入れ可能、納期に影響なし)
- ◆ 臨床レベルのラボ管理体制

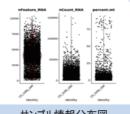
Visium v1 FF **=



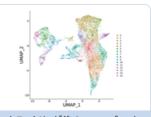
解析例 ※オーダーメイド解析に対応可能



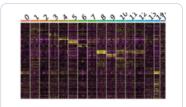
有効なスポットの同定マップ



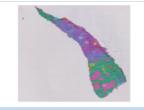
サンプル情報分布図



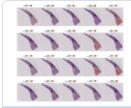
クラスタリング後のUMAPプロット



差異遺伝子サブクラスの発現ヒートマップ



クラスタリング染色の空間マップ



差異遺伝子の空間発現分布







お問い合わせ先

HaploX JAPAN株式会社

〒532-0011大阪市淀川区西中島 7丁目1-29新大阪SONEビル604

TEL: 06-6711-4812 FAX: 06-6711-4813 Email: hapjp@haplox.net 本サービスは、特に明記されていない限り、研究目的以外にはご利用いただけません。

Copyright©2025 HaploX Biotechnology Co., All Rights Reserved.すべての商標は、HaploX GeneTech Limitedま たは該当する各権利者に帰属します。

本資料には、幅広い閲覧者を対象とした製品情報が含まれています。記載された製品やサービスは、国・地域に よってはご利用いただけない場合や、提供されていない場合があります。お客様の所在国における法規制、承認手 続き、登録等に適合しない情報の閲覧または利用に関して、当社は一切の責任を負いません。特に明記のない限 り、一部のシーケンサーおよび試薬は国または地域によってはご使用いただけない場合があります。製品の地域別提 供状況については、当社までお問い合わせください。当社は、本資料に関する最終的な解釈権を有します。